

Figura 1 - Fluxograma mostrando critérios de inclusão e exclusão, bem como a distribuição da coorte final, de acordo com pacientes elegíveis e não elegíveis para Vigilância Ativa (VA).

Tabela 1. Dados demográficos e laboratoriais para ambos os grupos.

Parâmetro	Grupo 1 (ISUP 1-2*)	Grupo 2 (ISUP 2-5)	valor-p
Idade (anos)	65.6 +/- 7.56 (48-79)	67.4 +/- 8.82 (41-86)	0.003
Padrão de referência	Cirurgia: 10 (16.9%) Biópsia por fusão: 59 (83.1%)	Cirurgia 28 (37.3%) Biópsia por fusão:47 (62.7%)	0.23
Classificação histológica	ISUP 1: 33 (47.8%) ISUP 2*: 36 (52.2%)	ISUP 2: 13 (17.3%) ISUP 3: 17 (22.7%) ISUP 4:17 (22.7%) ISUP 5: 28 (37.3%)	N/A
PSA (ng/mL)	7.6 +/- 5.0 (1.5-33)	61.1 +/- 181.3 (1.1-997)	0.00001
dPSA	0.22 +/- 0.18 (0.03-0.87)	1.67 +/- 5.25 (0.03-29.3)	0.0003

PSA - *Prostate Specific Antigen* - Antígeno prostático específico; dPSA – *PSA density* - Densidade de PSA; ISUP - *International Society of Uro pathology* - Sociedade Internacional de Patologistas Urológicos

Tabela 2. Parâmetros da RM em ambos os grupos

Parâmetro	Grupo 1 (ISUP 1-2*)	Grupo 2 (ISUP 2-5)	valor-p
Volume prostático (cm³)	39.1 +/- 18.9 (16-125)	40.9 +/- 18.5 (18-122)	0.16
Tamanho da lesão na RM (mm)	9.52 +/- 3.94 (4-24)	19.45 +/- 10.24 (6-70)	0.00001
ADC x 10⁻³ mm/s²	0.678 +/- 0.130 (0.460-0.961)	0.534 +/- 0.112 (0.320-0.918)	0.00001
PI-RADS	3 - 04 4 - 58 5 - 08	3 - 0 4 - 21 5 - 54	0.0001

ISUP - *International Society of Urothology* - Sociedade Internacional de Patologistas Urológicos; ADC - Apparent Diffusion Coefficient; PI-RADS - Prostate Imaging Report and Data System

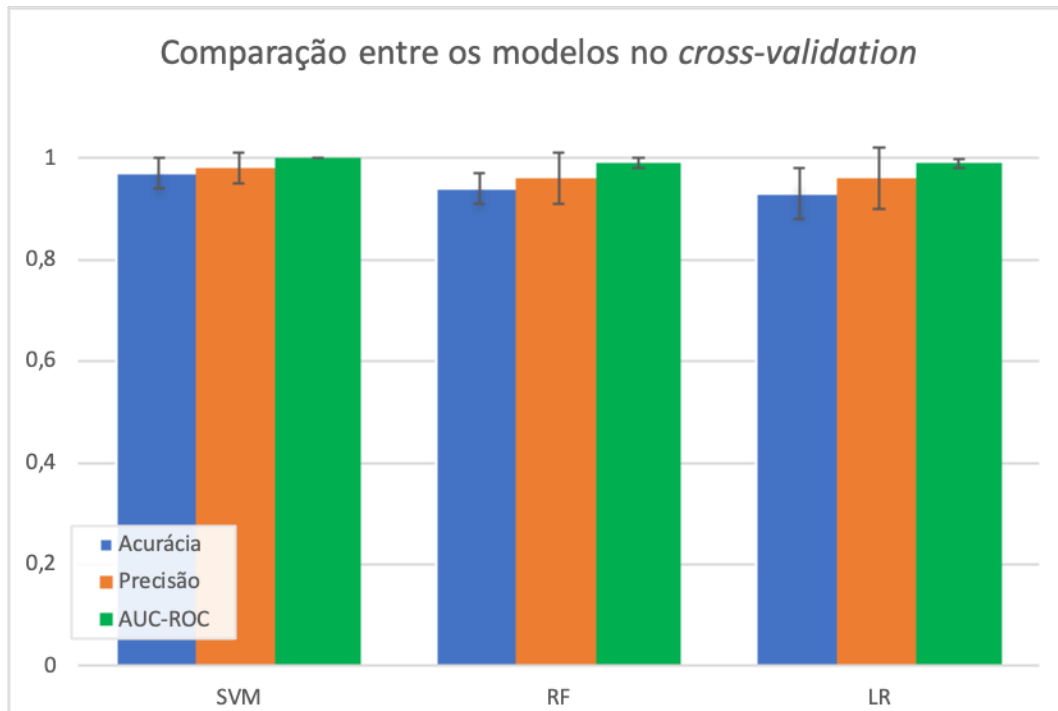


Figura 2 - Comparação de Modelos de Classificação *Support Vector Machine* (SVM), *Random Forest* (RF) e *Logistic Regression*(LR) utilizando *cross-validation* para Acurácia, Precisão e Área sob a Curva ROC (ROC-AUC).

Tabela 3. Métricas avaliadas nos três diferentes modelos no *cross-validation*

Métrica	SVM	RF	LR
Acurácia	0.972 +/- 0.034 (0.951 - 0.993)	0.937 +/- 0.036 (0.915-0.962)	0.937 +/- 0.049 (0.906-0.968)
Precisão	0.999 +/- 0.034 (0.968 - 1.000)	0.964 +/- 0.055 (0.929 - 1.000)	0.960 +/- 0.061 (0.922-0.998)
ROC-AUC	1.0 +/- 0.0 (1.0 - 1.0)	0.990 +/- 0.015 (0.981 - 1.000)	0.992 +/- 0.009 (0.986-0.998)

SVM – *Support Vector Machine*; RF - *Random Forest*; LR- *Logistic Regression*; Área sob a Curva ROC (ROC-AUC).